



ООО «МЕДИКО-БИОЛОГИЧЕСКИЙ ЦЕНТР»

173011, г. Великий Новгород, ул. Королёва, дом 7, корпус 1.

[E-mail: info@dnk-test.com](mailto:info@dnk-test.com) тел.: 8 (8162) 66-76-16; 8 (911) 620-55-45

Прейскурант цен

УТВЕРЖДАЮ

Генеральный директор ООО «МБЦ»

В.Н. Скаун



«03» Марта 2025г.

КОД	ИССЛЕДОВАНИЕ	СРОК (РАБ. ДНИ)	ЦЕНА
ИССЛЕДОВАНИЯ ПРИ ПЛАНИРОВАНИИ И ВО ВРЕМЯ БЕРЕМЕННОСТИ			
НЕИНВАЗИВНОЕ ПРЕНАТАЛЬНОЕ ТЕСТИРОВАНИЕ			
A27.20.001.001 (PD-102)	НЕИНВАЗИВНОЕ ПРЕНАТАЛЬНОЕ ТЕСТИРОВАНИЕ (НИПТ) Полногеномный тест на все хромосомы Выполняется совместно с НИИ АГиР им. Д.О. Отта Требуется заполнение анкеты с предоставлением данных комбинированного скрининга!	17	25 000
A27.20.001.002 (PD-103)	НЕИНВАЗИВНОЕ ПРЕНАТАЛЬНОЕ ТЕСТИРОВАНИЕ (НИПТ) Таргетный тест на 13, 18, 21, X, Y хромосомы Выполняется совместно с НИИ АГиР им. Д.О. Отта Требуется заполнение анкеты с предоставлением данных комбинированного скрининга!	17	

ЦИТОГЕНЕТИКА			
A12.05.013 (E-901)	Кариотипирование одного человека по лимфоцитам периферической крови	35	6 700
A12.05.013.001 (E-908)	СИТО! Кариотипирование одного человека по лимфоцитам периферической крови	14	7 000
A27.30.113 (E-902)	Молекулярно-генетический анализ межклеточного и межтканевого мозаицизма половых хромосом методом FISH по лимфоцитам периферической крови	35	7 700
A27.30.114 (E-903)	Идентификация маркерной хромосомы методом FISH	35	7 700
A27.30.115 (E-904)	Уточнение точек разрывов при транслокациях, инверсиях и других хромосомных перестройках методом FISH	35	7 200
A27.30.116 (E-905)	Диагностика Микроделеционных синдромов Прадера-Вилли, Ангельмана, Ди Джорджи и др. методом FISH Цена указана за 1 синдром	35	5 900
A12.05.013.002 (E-911)	Кариотипирование абортивного материала	35	6 100
A12.05.013.004 (E-913)	Кариотипирование пренатального материала	35	6 100
ХРОМОСОМНЫЙ МИКРОМАТРИЧНЫЙ АНАЛИЗ			
A27.30.117 (E-907)	ХРОМОСОМНЫЙ МИКРОМАТРИЧНЫЙ АНАЛИЗ, СТАНДАРТНЫЙ (ARRAY-CGH) С использованием матрицы со средней плотностью 750 тыс. маркеров. Разрешающая способность от 150 тыс. пар нуклеотидов.	14	32 000
A27.30.117.001 (E-910)	ХРОМОСОМНЫЙ МИКРОМАТРИЧНЫЙ АНАЛИЗ АБОРТИВНОГО МАТЕРИАЛА (метод array-CGH) С использованием матрицы со средней плотностью 750 тыс. маркеров	14	27 600
A27.30.117.002 (E-912)	ХРОМОСОМНЫЙ МИКРОМАТРИЧНЫЙ АНАЛИЗ, РАСШИРЕННЫЙ (метод array-CGH) Разрешающая способность от 50 тыс. пар нуклеотидов (в отдельных регионах от 10 000 п. н.)	25	50 700
A12.05.013.003 (E-920)	МОЛЕКУЛЯРНОЕ КАРИОТИПИРОВАНИЕ АБОРТИВНОГО МАТЕРИАЛА (метод NGS)	21	27 600
ПРЕИМПЛАНТАЦИОННОЕ ГЕНЕТИЧЕСКОЕ ТЕСТИРОВАНИЕ			
A27.30.118 (PD-1003)	Преимплантационное генетическое тестирование хромосомных аномалий методом NGS (VeriSeq PGS, Illumina)	28	29 300
A27.30.118.001 (PD-1004)	Преимплантационное генетическое тестирование хромосомных аномалий методом array-CGH (Agilent)	28	29 300
A27.30.119.005 (PD-1010)	ПГТ моногенного заболевания 3 категории сложности, повторное обращение	35	165 800
A27.30.119.003 (PD-1009)	ПГТ моногенного заболевания 2 категории сложности, повторное обращение	35	110 500
A27.30.119.001 (PD-1008)	ПГТ моногенного заболевания 1 категории сложности, повторное обращение	35	76 200

A27.30.119.004 (PD-1007)	ПГТ моногенного заболевания 3 категории сложности не разработаны тест системы, для 2 моногенных заболеваний, подготовительный этап + ПГД	130	386 800
A27.30.119.002 (PD-1006)	ПГТ моногенного заболевания 2 категории сложности не разработаны элементы тест система, подготовительный этап + ПГД	100	243 100
A27.30.119 (PD-1005)	ПГТ моногенного заболевания 1 категории сложности разработаны элементы тест-системы, подготовительный этап + ПГД	100	132 600
A27.30.118.002 (PD-1011)	СИТО! Преимплантационное генетическое тестирование хромосомных аномалий методом array-CGH (Agilent)	14	46 400
КОМПЛЕКСНЫЕ ПАНЕЛИ ПРИ ЭКО И ПЛАНИРОВАНИИ БЕРЕМЕННОСТИ			
A27.30.120.001 (D-01)	ОБСЛЕДОВАНИЕ ДОНОРОВ-МУЖЧИН 1.NGS панель «Моногенные заболевания» (исследование кодирующих участков 99-ти генов, связанных с 97-ю наследственными синдромами и заболеваниями, полный список генов и заболевания находится в Приложении 2); 2.Адреногенитальный синдром (врожденный дефицит 21- гидроксилазы) анализ значимых мутаций delA2, P30L (ex 1), i2splice (in 2), del8bp (ex 3), I172N (ex 4), V237E (ex 6), V281L (ex 7), Q318X (ex 8), R356W (ex 8), P453S; 3.Спинальная мышечная атрофия (болезнь Верднига- Гоффмана): анализ делеций (исследование 7 экзона гена SMN1); 4.Определение делеции локусов AZFa, AZFb, AZFc, исследование гена SRY: sY84, sY86, sY127, sY134, sY254, sY255, SRY.	35	36 500
A27.30.120.002 (D-02)	ОБСЛЕДОВАНИЕ ДОНОРОВ-ЖЕНЩИН 1.NGS панель «Моногенные заболевания» (исследование кодирующих участков 99-ти генов, связанных с 97-ю наследственными синдромами и заболеваниями, полный список генов и заболевания находится в Приложении 2);; 2.Адреногенитальный синдром (врожденный дефицит 21- гидроксилазы): анализ значимых мутаций delA2, P30L (ex 1), i2splice (in 2), del8bp (ex 3), I172N (ex 4), V237E (ex 6), V281L (ex 7), Q318X (ex 8), R356W (ex 8), P453S; 3.Спинальная мышечная атрофия (болезнь Верднига-Гоффмана): анализ делеций (исследование 7 экзона гена SMN1); 4.Синдром Мартина-Белл: анализ CGG повторов в гене FMR1.	35	36 500
A27.30.120 (CG-1911)	СПЕЦПАНЕЛЬ ДЛЯ ДОНОРОВ 1.Комплексное обследование (1 человек) на носительство наиболее частых наследственных заболеваний (муковисцидоз, фенилкетонурия, галактоземия, спинальная амиотрофия, адреногенитальный синдром, нейросенсорная тугоухость). Анализ 17 мажорных мутаций мутаций в генах CFTR, PAH, GALT, SMN1, CYP21A2, GJB2 2.Кариотипирование	35	26 300
МЕТАГЕНОМНЫЕ ИССЛЕДОВАНИЯ			

A27.30.121 (МВ-400)	МИКРОБИОМ 16S ТОЛЬКО СЫРЫЕ ДАННЫЕ Исследование микробиома (бактерии+ археи) методом секвенирования 16spPHK любого биоматериала - только сырые данные. Xlsx	14	9 100
A27.30.121.001 (МВ-401)	МИКРОБИОМ 16S С ИНТЕРПРЕТАЦИЕЙ Исследование микробиома (бактерии+ археи) методом секвенирования 16spPHK любого биоматериала с интерпретацией	21	12 200
A27.30.121.002 (МВ-402)	МИКРОБИОМ 16S С ИНТЕРПРЕТАЦИЕЙ И РЕКОМЕНДАЦИЕЙ ПО ПРОБИОТИЧЕСКОЙ КОРРЕКЦИИ Исследование микробиома (бактерии+ археи) методом секвенирования 16spPHK любого биоматериала с интерпретацией и рекомендациями по пробиотической коррекции	21	15 100
A27.30.122 (МВ-500)	МИКОМ 18S ТОЛЬКО СЫРЫЕ ДАННЫЕ Исследование микомы (грибы+одноклеточные простейшие) методом секвенирования 18spPHK любого биоматериала - только сырые данные. xlsx	14	9 100
A27.30.122.001 (МВ-501)	МИКОМ 18S С ИНТЕРПРЕТАЦИЕЙ Исследование микомы (грибы+одноклеточные простейшие) методом секвенирования 18spPHK любого биоматериала -с интерпретацией	21	12 200
A27.30.123 (МВ-600)	МИКРОБИОМ 16S + МИКОМ 18S ТОЛЬКО СЫРЫЕ ДАННЫЕ Исследование микробиома (бактерии+ археи) и микомы (грибы+одноклеточные простейшие) методом секвенирования 16spPHK,18spPHK любого биоматериала - только сырые данные. xlsx	14	18 200
A27.30.123.001 (МВ-601)	МИКРОБИОМ 16S + МИКОМ 18S С ИНТЕРПРЕТАЦИЕЙ Исследование микробиома (бактерии+ археи) и микомы (грибы одноклеточные простейшие) методом секвенирования 16spPHK,18spPHK любого биоматериала с интерпретацией	21	22 200
A27.30.123.002 (МВ-602)	МИКРОБИОМ 16S + МИКОМ 18S С ИНТЕРПРЕТАЦИЕЙ И РЕКОМЕНДАЦИЕЙ ПО ПРОБИОТИЧЕСКОЙ КОРРЕКЦИИ Исследование микробиома (бактерии+ археи) и микомы (грибы одноклеточные простейшие) методом секвенирования 16spPHK,18spPHK любого биоматериала с интерпретацией и рекомендациями по пробиотической коррекции	21	25 200
A27.30.124 (МВ-700)	МЕТАГЕНОМНОЕ СЕКВЕНИРОВАНИЕ WGS ТОЛЬКО СЫРЫЕ ДАННЫЕ Исследование полного метагенома (бактерии, археи, грибы, вирусы, паразиты) методом полногеномного секвенирования любого биоматериала - только сырые данные. xlsx	28	40 500
A27.30.124.001 (МВ-701)	МЕТАГЕНОМНОЕ СЕКВЕНИРОВАНИЕ WGS С ИНТЕРПРЕТАЦИЕЙ Исследование полного метагенома (бактерии, археи, грибы, вирусы, паразиты) методом полногеномного секвенирования любого биоматериала с интерпретацией	35	45 600

A27.30.124.002 (МВ-702)	МЕТАГЕНОМНОЕ СЕКВЕНИРОВАНИЕ WGS С ИНТЕРПРЕТАЦИЕЙ И ПРОБИОТИЧЕСКОЙ КОРРЕКЦИЕЙ Исследование полного метагенома (бактерии, археи, грибы, вирусы, паразиты) методом полногеномного секвенирования с интерпретацией по патогенам, функциональным бактериям, оценкой антибиотикорезистентности, генов токсичности и рекомендациями по пробиотической коррекции для лечащего врача. Биоматериал (мазок из влагалища и ц.к., мазок из ротовой полости, каловые массы, другой биоматериал по запросу)	40	55 700
A27.30.124.003 (МВ-703)	МЕТАГЕНОМНОЕ СЕКВЕНИРОВАНИЕ WGS С ИНТЕРПРЕТАЦИЕЙ И ПРОБИОТИЧЕСКОЙ КОРРЕКЦИЕЙ Исследование полного метагенома (бактерии, археи, грибы, вирусы, паразиты) методом полногеномного секвенирования любого биоматериала с интерпретацией и рекомендациями по пробиотической коррекции для лечащего врача	45	65 800
A27.30.125 (МВ-800)	МЕТАГЕНОМНОЕ СЕКВЕНИРОВАНИЕ Low WGS ТОЛЬКО СЫРЫЕ ДАННЫЕ Исследование полного метагенома (бактерии, грибы) методом полногеномного секвенирования любого биоматериала – только сырые данные. Xlsx	28	20 300
A27.30.125.001 (МВ-801)	МЕТАГЕНОМНОЕ СЕКВЕНИРОВАНИЕ Low WGS С ИНТЕРПРЕТАЦИЕЙ Исследование полного метагенома (бактерии, грибы) методом полногеномного секвенирования любого биоматериала с интерпретацией по патогенам, оценкой антибиотикорезистентности	28	26 000
A27.30.125.002 (МВ-802)	МЕТАГЕНОМНОЕ СЕКВЕНИРОВАНИЕ Low WGS С ИНТЕРПРЕТАЦИЕЙ И ПРОБИОТИЧЕСКОЙ КОРРЕКЦИЕЙ Исследование полного метагенома (бактерии, грибы) методом полногеномного секвенирования с интерпретацией по патогенам, функциональным бактериям, оценкой антибиотикорезистентности, рекомендациями по пробиотической коррекции для лечащего врача. Биоматериал (мазок из влагалища и ц.к., мазок из ротовой полости, каловые массы, другой биоматериал по запросу)	28	28 100
B01.006.003 (CG-1916)	Консультация по результатам метагеномных исследований специалиста 1 категории	–	3 400
B01.006.004 (CG-1917)	Консультация по результатам метагеномных исследований специалиста 2 категории	–	5 600
B01.006.005 (CG-1918)	Рекомендации для лечащего врача по пробиотической коррекции по результатам метагеномного исследования методом 16S рРНК + 18S рРНК	7	3 400
B01.006.006 (CG-1919)	Рекомендации для лечащего врача по пробиотической коррекции по результатам метагеномного исследования методом WGS	7	3 400

B01.006.007 (CG-1920)	Интерпретация ЭКСПЕРТНОГО УРОВНЯ по результатам метагеномного секвенирования методом WGS с рекомендациями для лечащего врача в т.ч. с рекомендациями по пробиотической коррекции	21	22 500
B01.006.008 (CG-1921)	Интерпретация по результатам метагеномного секвенирования методом WGS с рекомендациями для лечащего врача в т.ч. с рекомендациями по пробиотической коррекции	14	8 400
NGS ДИАГНОСТИКА И ВЫЯВЛЕНИЕ НАСЛЕДСТВЕННЫХ ЗАБОЛЕВАНИЙ			
ПОИСК МУТАЦИЙ МЕТОДОМ NGS СЕКВЕНИРОВАНИЯ			
A27.30.126.002 (MP-1700)	СРОЧНЫЙ ПОЛНЫЙ ЭКЗОМ СИТО (более 20 000 генов) С ИНТЕРПРЕТАЦИЕЙ NGS секвенирование полного экзона человека со средней кратностью покрытия от 70х без верификации по Сэнгеру с интерпретацией врача-генетика	35	86 200
A27.30.126.001 (MP-1703)	ПОЛНЫЙ ЭКЗОМ. (более 20 000 генов) С ИНТЕРПРЕТАЦИЕЙ NGS секвенирование со средней кратностью покрытия от 70х без верификации по Сэнгеру с интерпретацией врача-генетика	50	54 100
A27.30.126 (MP-1701)	ПОЛНЫЙ ЭКЗОМ. (более 20 000 генов) fastq NGS секвенирование со средней кратностью покрытия от 70х без верификации по Сэнгеру, «сырые данные», fastq	35	43 100
A27.30.127.001 (MP-1702)	ПОЛНЫЙ ГЕНОМ NGS с интерпретацией врача-генетика секвенирование со средней кратностью покрытия от 30х и без верификации по Сэнгеру	50	165 800
A27.30.127 (MP-1756)	ПОЛНЫЙ ГЕНОМ NGS секвенирование со средней кратностью покрытия от 30х и без верификации по Сэнгеру, «сырые данные», fastq	35	99 500
A27.05.027 (MP-1704)	Митохондриальный геном	65	24 300

A27.30.128 – A27.30.128.018 (MP-1707)	КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ: Оценка наследственных заболеваний (более 4 000 клинически значимых генов) NGS секвенирование со средней кратностью покрытия от 70х без верификации по Сэнгеру). СПИСОК ПАНЕЛЕЙ: Панель «Наследственные эпилепсии» Панель «Наследственные нарушения обмена веществ» Панель «Заболевания соединительной ткани» Панель «Наследственные опухолевые синдромы» Панель «Наследственная тугоухость» Панель «Женские наследственные опухоли» Панель «Факоматозы и наследственный рак» Панель «Наследственный рак молочной железы» Панель «Наследственный рак толстой кишки» Панель «Первичный иммунодефицит и наследственные анемии» Панель «Умственная отсталость и расстройства аутистического спектра» Панель «Нервно-мышечные заболевания» Панель «Нейродегенеративные заболевания» Панель «Наследственные заболевания глаз» Панель «Наследственные заболевания почек» Панель «Наследственные заболевания сердца» Панель «Наследственные нарушения репродуктивной системы» Панель «Наследственные заболевания желудочно-кишечного тракта» Панель «Генетической предрасположенности к развитию наследственных кардиомиопатий»	35	46 400
MP-1708	СРОЧНЫЙ КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ СИТО (NGS секвенирование со средней кратностью покрытия от 70х без верификации по Сэнгеру). Список генов, предоставляется по запросу	28	51 900
A27.30.129.001 (MP-1709)	КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ: СИТО Молекулярная онкология секвенирование со средней кратностью покрытия от 200х (анализ крови и опухоли пациента)	35	165 800
A27.30.129 (MP-1710)	КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ: Молекулярная онкология NGS секвенирование со средней кратностью покрытия от 200х (анализ крови и опухоли пациента)	50	99 500
A27.30.130 (D-03)	NGS панель «Моногенные заболевания» Исследование кодирующих участков 99-ти генов, связанных с 97-ю наследственными синдромами и заболеваниями. Список генов и заболеваний в приложении 1	28	27 600
A27.30.131 (MP-1731)	NGS панель «Секвенирование локусов HLA высокого разрешения»	30	22 900
A27.30.132 (MP-1830)	NGS панель «Наследственные заболевания сердца (кардиомиопатии) и нарушения липидного обмена» Список генов, предоставляется по запросу	35	27 600
A27.30.133 (CG-1909)	NGS панель «Атипичный гемолизико-уремический синдрома aГУС»	45	46 400

A27.30.134.001 (CG-1987)	CITO NGS панель «Полный анализ гена <i>ALPL</i> щелочной фосфатазы» (гипофосфатази;я, MIM 146300, 241500, 241510) NGS секвенирование экзонов гена <i>ALPL</i>	21	40 900
A27.30.134 (CG-1908)	NGS панель «Полный анализ гена <i>ALPL</i> щелочной фосфатазы» (гипофосфатази;я, MIM 146300, 241500, 241510) NGS секвенирование экзонов гена <i>ALPL</i>	28	27 600
A27.30.135 (FG-1229)	NGS панель «Предрасположенность к злокачественной гипертермии» Список генов, предоставляется по запросу	35	21 000
A27.05.035.001 (CG-1929)	NGS панель «Фенилкетонурия» NGS секвенирование экзонов гена <i>PAH</i>	30	30 900
A27.05.032.001 (CG-1912)	NGS панель «Мышечная дистрофия Дюшенна/Беккера» NGS секвенирование экзонов гена <i>DMD</i>	35	46 400
A27.30.136 (CG-1913)	NGS панель «Ишемические инсульты у детей» Список генов, предоставляется по запросу	35	11 100
A27.30.137.001 (CG-1988)	CITO NGS панель «Полный анализ гена липосомальной кислой липазы» NGS секвенирование экзонов гена <i>LIPA</i>	21	40 900
A27.30.137 (CG-1910)	NGS панель «Полный анализ гена липосомальной кислой липазы» NGS секвенирование экзонов гена <i>LIPA</i>	28	27 600
A27.30.138 (MP-1706)	NGS панель «Гиперинсулинизм и MODY»	35	43 100
A27.30.139 (MP-1730)	NGS панель «НУНАН-подобные синдромы»	35	43 100
A27.30.140.001 (MP-1797)	Х-сцепленный доминантный гипофосфатемический рахит (Х-ГФР) Полный геном	65	99 500
A27.30.141 (MP-1798)	Х-ГФР Синдром кожно-скелетной гипофосфатемии (Невус-синдром)	35	46 400
A27.30.140 (MP-1799)	Х-ГФР Х-сцепленный доминантный гипофосфатемический рахит (Х-ГФР) К.Экзом	35	46 400
A27.30.142 (MP-1732)	ОНКОДИАГНОСТИКА NGS панель «Диагностика наследственных синдромов» <i>ATM, ATR, BARD1, BRCA1, BRCA2, BRIP1, CDH1, CDK12, CHEK1, CHEK2, EPCAM, FANCL, MLH1, MSH2, NBN, NF1, PALB2, PMS2, RAD51B, RAD51C, RAD51D, RAD54, STK11, TP53, POLE</i>	28	43 100
A27.30.142.001 (MP-1733)	ОНКОДИАГНОСТИКА NGS панель «Подбор таргетной терапии» ДНК часть: <i>ATM, ATR, BARD1, BRCA1, BRCA2, BRIP1, CDH1, CDK12, CHEK1, CHEK2, EPCAM, FANCL, NF1, PALB2, STK11, TP53, KRAS, NRAS, BRAF, EGFR, ERBB2, PIK3CA, MET ex14, KIT, PDGFRA, POLE, KEAP1, IDH1-2, ESR1</i> ПНК часть: <i>ALK, AXL, BRAF, EGFR, FGFR1, FGFR2, FGFR3, MET, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PDGFRB, PDGFR, PPARG, RET, ROS1</i>	28	49 700
A27.05.036.001 (MP-1607)	Муковисцидоз NGS секвенирование экзонов гена <i>CFTR</i> , включая исследование del21kb	65	31 700

A27.30.143 (MP-1626)	Адреногенитальный синдром (врожденный дефицит 21- гидроксилазы с верификацией) NGS секвенирование экзонов гена <i>CYP21A2</i>	65	30 900
A27.05.034.001 (CG-1932)	Спинальная мышечная атрофия. NGS секвенирование гена <i>SMN1</i>	45	18 800
ПОИСК МУТАЦИЙ МЕТОДОМ СЕКВЕНИРОВАНИЯ ПО СЭНГЕРУ			
A27.05.033.001 (CG-1986)	Нейросенсорная тугоухость Секвенирование 2 экзона гена <i>GJB2</i>	28	7 600
A27.30.144 (CG-1914)	Полный анализ гена <i>ALPL</i> (гипофосфатазия, МIM 146300, 241500, 241510) методом секвенирования по Сэнгеру	35	27 600
A27.30.145 (CG-1915)	Полный анализ гена <i>LIPA</i> методом секвенирования по Сэнгеру	35	27 600
ВЕРИФИКАЦИЯ ПО СЭНГЕРУ ПОСЛЕ NGS			
A27.30.146 (MP-1801)	Верификация одной мутации, выявленной после в NGS (1-3 человека)	35	6 300
A27.30.146.001 (MP-1802)	Верификация двух мутации, выявленных после в NGS (1-3 человека)	35	12 600
A27.30.146.002 (MP-1803)	Верификация трех мутации, выявленных после в NGS (1-3 человека)	35	18 900
A27.30.146.003 (MP-1804)	Верификации одной мутации, выявленной после NGS дополнительно за каждого следующего человека	35	3 100
A27.30.147 (MP-1806)	Пренатальная ДНК-диагностика одной мутации, выявленной после NGS (1-3 человека)	35	10 200
АНАЛИЗ ЗНАЧИМЫХ МУТАЦИЙ ЧАСТЫХ НАСЛЕДСТВЕННЫХ ЗАБОЛЕВАНИЙ			
MP-1600	Носительство частых мутаций для наиболее частых наследственных заболеваний: муковисцидоз, фенилкетонурия, болезнь Верднига-Гоффмана (спинально-мышечная атрофия), нейросенсорная тугоухость) Комплексный анализ на носительство частых мутаций при наиболее частых наследственных заболеваниях. · CFTR (delF-508 (экзон 10), 1660delG (экзон 10), 1677delTA, (экзон 10), delI 507 (экзон 10), CFTRdel21kb) · PАН (R408W) · SMN1 (делеция 7 экзона), GJB2 (30delG, 167delT)	35	12 700
A27.30.148 (MP-1601)	Хорея Гентингтона Анализ числа CAG повторов в гене IT15 (HTT)	35	5 000
A27.30.149 (MP-1602)	Адреногенитальный синдром (врожденный дефицит 21- гидроксилазы) Анализ значимых мутаций в гене CYP21A2: delA2, P30L (ex 1), i2splice (in 2), del8bp (ex 3), I172N (ex 4), V237E (ex 6), V281L (ex 7), Q318X (ex 8), R356W (ex 8), P453S	28	9 400

A27.30.149.001 (MP-1603)	ПРЕНАТАЛЬНАЯ ДИАГНОСТИКА. Аденогенитальный синдром (врожденный дефицит 21-гидроксилазы) –2 человека Анализ значимых мутаций в гене CYP21A2: delA2, P30L (ex 1), i2splice (in 2), del18bp (ex 3), I172N (ex 4), V237E (ex 6), V281L (ex 7), Q318X (ex 8), R356W (ex 8), P453S	21	18 800
A27.05.036.002 (MP-1604)	Муковисцидоз (24 мутации) Анализ значимых мутаций в гене CFTR: delF-508, 1660delG, 677delTA, delI 507, CFTRdel21kb, 2143delT, 2113delA, 2118del4, 2141insA, 2183AA>G, delE672, 2176insC, 2183AA-G, 2183delAA, 2184delA, 2184insA, 394 del TT, R334W, R347P, G551d, R553x, G542x, W1282X, W1282C, W1282G, N1303K	35	5 700
A27.05.036.003 (MP-1605)	Муковисцидоз (мажорные) Анализ значимых мутаций в гене CFTR: delF-508, 1677delTA, delI 507, 1660delG, CFTRdel21kb	28	2 200
A27.05.036.004 (MP-1606)	Муковисцидоз (35 мутаций) Анализ значимых мутаций в гене CFTR : F508del, I507del, CFTRdele2,3, E92K, 3849+10kb C>T, 1677delTA, N1303K, W1282X, L138ins, G542X, 394delTT, R334W, W1282R, S1196X, 2143delT, 1367del5, 2183AA-G, R1066C, W1310X, 712-1G>T, 621+1G>T, R553X, L1335P, 4015delA, R1162X, 3120+1G>A, 2184insA, 2184delA, 2113delA, 2118del4, 2176insC, 2183delAA, R347P, G551D, W1282G	28	10 200
A27.05.035.002 (MP-1608)	Фенилкетонурия, 4 маркера Анализ значимых мутаций R408W, R261Q, R252W, R261X	28	4 100
A27.05.035.003 (MP-1609)	Фенилкетонурия, 8 маркеров Анализ мутаций R408W, R261Q, R261X, R252W, IVS10-11G>A, IVS12+1G>A, IVS4+5G>T, R158Q и P281L	35	5 700
A27.05.035.004 (MP-1610)	Фенилкетонурия Анализ R408W	28	1 500
A27.05.032.002 (MP-1613)	Мышечная дистрофия Дюшенна/Беккера Поиск делеций в гене дистрофина методом MLPA	28	16 600
A27.30.150 (MP-1614)	Миотоническая дистрофия Анализ значимых мутаций в гене DMPK	35	4 400
A27.30.151 (MP-1615)	Синдром Мартина-Белл Анализ повторов CGG в гене FMR1	35	3 900
A27.05.034 (MP-1616)	Спинальная мышечная атрофия (болезнь Верднига-Гоффмана) Анализ делеций 7 экзона гена SMN1	21	5 100
A27.05.034.001 (MP-1617)	Спинальная мышечная атрофия (болезнь Верднига-Гоффмана) Определение количества копий гена SMN2	35	8 800
A27.30.152 (MP-1618)	Гемофилия А Косвенная ДНК-диагностика семьи при гемофилии А (3-4 человека)	21	7 600

A27.30.152.001 (MP-1619)	Гемофилия В Косвенная ДНК-диагностика семьи при гемофилии В (3-4 человека)	21	7 600
A27.05.033.002 (MP-1620)	Нейросенсорная тугоухость Анализ мутаций в GJB2 гене 35 delG, 167delT в гене GJB2	28	3 900
A27.30.153 (MP-1621)	Галактоземия (2 мутации) Анализ мутаций в гене GALT: Q188R, K285N	28	3 900
A27.30.153.001 (MP-1622)	Галактоземия (4 мутации) Анализ мутаций Q188R, K285N, N314D, 940A>G	28	5 000
A27.30.015 (MP-1623)	Синдром Жильбера Исследование промоторной области гена UGT1A1	21	3 200
A27.30.154 (MP-1624)	Болезнь Вильсона-Коновалова Анализ 5 наиболее частых мутаций в гене ATP7B: с.2304 del, с.3207 C>A, с.3190 C>A, с.3402 del, с.3649_3654 del	21	5 000
A27.05.010, A27.05.009 (MP-1625)	Гемохроматоз (3 мутации) Анализ частых мутаций в гене HFE: 187C>G, 845 G>A, 193 A>T	21	3 500
A27.30.155 (22.189)	Анализ случайной/неслучайной инактивации X-хромосомы	21	6 300
ГЕНЕТИКА ДЛЯ ЗДОРОВЬЯ И ДОЛГОЛЕТИЯ			
Выявление генетической предрасположенности к ЗАБОЛЕВАНИЯМ РЕПРОДУКТИВНОЙ СИСТЕМЫ			
A27.30.156 (GP-701)	Риски гормональной контрацепции, 16 маркеров	21	5 900
A27.30.157.002 (GP-704)	Подготовка к беременности (невынашивание и осложнения беременности), 30 маркеров	21	14 900
A27.30.157.001 (GP-789)	Подготовка к беременности, 15 маркеров	21	13 000
A27.30.158 (GP-705)	Подготовка к ЭКО, 19 маркеров	21	11 100
A27.30.157.003 (GP-706)	Счастливая беременность, 59 маркеров	35	35 600
A27.30.157 (CG-1934)	Риски осложнений беременности, 5 маркеров	21	5 700
A27.05.022, A27.05.037 (GP-707)	Мужское бесплодие, (азооспермия)	21	4 300
A27.30.159 (GP-708)	Мужское бесплодие, 12 маркеров	21	8 600
A27.30.160 (GP-703)	Предрасположенность к СПКЯ (синдром поликистозных яичников), 7 маркеров	21	7 600

A27.30.161 (GP-711)	Гистосовместимость, сдается парой (цена за 2 человека)	21	9 400
Выявление генетической предрасположенности к ЭНДОКРИННЫМ ЗАБОЛЕВАНИЯМ			
A27.30.162 (GP-401)	Сахарный диабет I типа, инсулинзависимый, 7 маркеров	14	3 500
A27.30.162.001 (GP-402)	Сахарный диабет II типа и его осложнения, подбор сахароснижающих препаратов, 12 маркеров	21	6 400
A27.30.163.001 (GP-404)	Метаболизм стероидных гормонов, 18 маркеров	21	7 600
A27.30.163 (GP-406)	Метаболизм стероидных гормонов, 6 маркеров	21	4 600
A27.05.025 (GP-407)	Гиперандрогения, 1 маркер	10	1 500
Выявление генетической предрасположенности ИММУННЫМ И АУТОИММУННЫМ ЗАБОЛЕВАНИЯМ			
A27.30.164 (GP-602)	Болезнь Грейвса (аутоиммунный тиреоидит), 8 маркеров	21	7 400
A27.30.165 (GP-603)	Болезнь Бехтерева, 1 маркер	10	2 900
A27.30.166 (K-1)	Анализ генов, определяющих устойчивость к ВИЧ - инфекции	28	1 300
Выявление генетической предрасположенности К ОНКОЛОГИЧЕСКИМ ЗАБОЛЕВАНИЯМ			
A27.30.167 (GP-101)	Рак толстого кишечника, желудка и рак мочевого пузыря, 6 маркеров	21	5 700
A27.30.168 (GP-111)	Предрасположенность к раку лёгких, желудка и толстого кишечника, 10 маркеров	21	13 800
A27.05.040, A27.05.046 (GP-104)	Рак молочной железы и яичников, 7 маркеров	10	4 200
A27.05.040, A27.05.046.001 (GP-105)	Рак молочной железы и яичников, 16 маркеров	21	8 800
A27.30.169 (GP-107)	Антиоксидантная защита, 8 маркеров	21	5 700
A27.30.170 (GP-108)	Анализ генетических маркеров риска онкологических заболеваний, 21 маркер	28	21 000

A27.30.170.001 (GP-109)	Генетический риск онкологических заболеваний, 40 маркеров	40	32 000
A27.30.171 (GP-601)	Рак щитовидной железы, 4 маркера	21	6 100
A27.30.172 (GP-110)	Рак предстательной железы, 13 маркеров	28	8 800
Выявление генетической предрасположенности к			
СЕРДЕЧНО-СОСУДИСТЫМ ЗАБОЛЕВАНИЯМ			
A27.30.173 (GP-215)	Артериальная гипертония, 11 маркеров	15	6 100
A27.30.173.001 (GP-201)	Генетический риск артериальной гипертонии, подбор антигипертензивных препаратов, 14 маркеров	28	13 300
A27.30.174 (GP-203)	Липидный обмен, 11 маркеров	28	6 400
A27.30.175 (GP-204)	Гипергомоцистеинемия, 4 маркера	10	2 500
A27.05.63 (GP-205)	Тромбофилия, 2 маркера	10	2 000
A27.05.63.003 (GP-207)	Тромбофилия и подбор лекарственных препаратов, 36 маркеров	35	32 000
A27.05.63.002 (GP-202)	Атеросклероз аорты и коронарных сосудов, 32 маркера	35	29 800
A27.05.63.004 (GP-208)	Генетический риск сердечно-сосудистых заболеваний, 60 маркеров	35	36 500
A27.05.63.001 (GP-206)	Тромбофилия, 12 маркеров	10	4 400
Выявление генетической предрасположенности к ЗАБОЛЕВАНИЯМ ЖЕЛУДОЧНО-КИШЕЧНОГО ТРАКТА			
A27.16.001 (GP-501)	Болезнь Крона, 4 маркера	21	4 400
A27.16.002 (GP-502)	Неспецифический язвенный колит 5 маркеров	21	3 200
A27.16.003 (GP-503)	Целиакия (глютеновая болезнь)	10	5 500
A27.16.004 (GP-504)	Лактазная недостаточность	10	1 500
A27.16.005 (GP-505)	Болезни желудочно-кишечного тракта, 40 маркеров	28	36 500
Выявление генетической предрасположенности к БОЛЕЗНЯМ МЕТАБОЛИЗМА КОСТНОЙ ТКАНИ			

A27.03.002 (GP-506)	Метаболизм костной ткани, 11 маркеров	21	6 400
A27.03.001 (GP-507)	Метаболизм костной ткани, 3 маркера	15	4 400
A27.03.003 (GP-1240)	Предрасположенность к развитию аутоиммунного поражения суставов, 2 маркера	15	3 500
Выявление генетической предрасположенности к ПСИХОНЕВРОЛОГИЧЕСКИМ ЗАБОЛЕВАНИЯМ			
A27.23.001 (GP-801)	Медиаторные нарушения, 6 маркеров	21	4 900
A27.23.002 (GP-803)	Болезнь Альцгеймера, 2 маркера	10	2 900
ГЕНЕТИЧЕСКИЕ ПАСПОРТА			
A27.30.175.001 (M-1310)	Клинический генетический паспорт (предрасположенность, 200 маркеров)	45	59 400
A27.30.175 (M-1311)	Оптимальный генетический паспорт, 49 маркеров	45	41 000
A27.30.175.001 (M-1320)	Клинический генетический паспорт (моногенная патология + предрасположенность 200 маркеров)	45	84 200
СПОРТИВНАЯ ГЕНЕТИКА			
A27.30.176 (M-1305)	Минимальный спортивный паспорт 9 маркеров	21	7 500
A27.30.176.001 (M-1306)	Оптимальный спортивный паспорт 21 маркер	35	24 600
A27.30.176.002 (M-1307)	Полный спортивный паспорт 36 маркера	35	32 000
A27.30.177 (CG-1942)	Общая выносливость. Выявление оптимального вида физических нагрузок, 19 маркеров	28	18 800
ЭСТЕТИКА И ЗДОРОВЬЕ			
A27.30.178 (M-1300)	Генетический панель «Косметология», 17 маркеров	21	15 800
A27.30.179 (D-1)	Детоксикация и метаболизм, 55 маркеров	30	34 300
A27.30.180 (M-1316)	Гены витаминов 24 маркера	21	12 700
A27.30.181 (M-4)	Нутригеномика «ГЕНЕТИЧЕСКАЯ ДИЕТА» 32 маркера	40	29 300
A27.30.182 (GP-1907)	Метаболизм кофеина, 4 маркера	10	3 900

A27.30.183 (GP-1919)	Восстановительный потенциал , 58 маркеров	45	55 100
A27.30.184 (CG-1935)	Риск повышенной сухости кожи, 1 маркер	10	1 700
A27.30.185 (CG-1947)	Предрасположенность к атопии. Подбор иммунобиологической терапии, 7 маркеров	21	6 900
A27.30.186 (CG-1948)	Предрасположенность к нарушению трехмерной структуры коллагенового каркаса кожи. Биостарение. Регенерация и склонность к рубцеванию, 7 маркеров	21	6 900
A27.30.187 (GP-508)	Воспалительный ответ, 10 маркеров	21	12 700
A27.30.188 (FG-1222)	Метаболизм алкоголя, 3 маркера	21	3 200
ФАРМАКОГЕНЕТИКА			
A27.30.189 (FG-1215)	Статины, 5 маркеров (I поколение симвастатин, провастатин, ловастатин; II поколение флувастатин; III аторвастатин; IV розувастатин, питовастатин) ,	21	4 400
A27.30.191 (FG-1212)	Антикоагулянты и антиагреганты, 10 маркеров (аспирин, варфарин, клопидогрел, прасургел, тиклодипин) 10 маркеров CYP2C9 (2), VKORC1 (4) CYP4F2, HLA-DRB1, GP1BA, CYP2C19	21	9 400
A27.30.190 (FG-1210)	Антигипертензивные препараты (бета-блокаторы, ингибиторы АПФ, блокаторы рецепторов ангиотензина, диуретики), 8 маркеров ADRB1, ADRB2, ACE, AGE, ADD1, CYP11B2, CYP2C9 (2), CYP2D6 (2)	21	7 700
A27.30.192 (FG-1227)	Фармакогенетика, 20 маркеров	21	13 300
A27.05.045.001 (FG-1225)	Нестероидные противовоспалительные препараты (диклофенак, ибупрофен, пироксикам) , толбутамин анализ гена I фазы системы детоксикации CYP2C9	10	3 200
A27.30.193 (FG-1230)	Подбор дозы пероральных сахароснижающих препаратов, 1 маркер	10	1 300
A27.30.194 (FG-1231)	Фармакогенетика:серотониновая система, 2 маркера	21	3 900
A27.30.195 (FG-1233)	Фармакогенетика: феварин, венфлаксин, карбамазепин, кветиапин, 4 маркера	21	5 100
A27.30.196 (FG-1232)	Фармакогенетика: пароксетин, флувоксамин, галоперидол, трамадол, рисперидон, атомоксетин, венлафаксин, нортриптилин, амитриптилин, имипрамин, 2 маркера	21	3 900
A27.30.197 (FG-1241)	Фармакогенетика метотрексата (SLC19A1) , 1 маркер	10	1 300
A27.30.198 (FG-1208)	Медиаторные нарушения с подбором антидепрессантов и нейролептиков анализ генов дофаминового рецептора, 13 маркеров	21	10 800

A27.30.199 (FG-1220)	Противоопухолевые препараты: метотрексат, 5 маркеров	21	5 600
A27.30.200 (FG-1228)	Предрасположенность к развитию аутоиммунного поражения суставов. Фармакогенетика метотрексата, 3 маркера	21	4 600
ДРУГИЕ ВИДЫ УСЛУГ			
Ген 1	АНАЛИЗ ОТДЕЛЬНЫХ ГЕНОВ, ЦЕНА УКАЗАНА ЗА 1 ПОЛИМОРФИЗМ (RS). Список маркеров предоставляется по запросу	21	900
БИОИНФОРМАТИЧЕСКИЙ АНАЛИЗ ДАННЫХ ЛАБОРАТОРИЕЙ КЛИНИЧЕСКОЙ БИОИНФОРМАТИКИ CLINBIO ПОД РУКОВОДСТВОМ ФЕДОРА КОНОВАЛОВА			
MP-1807	Экспертный анализ данных секвенирования полного экзона, клинического экзона Лабораторией клинической биоинформатики ClinBio под руководством Федора Коновалова. Для исследования необходимы данные в формате FASTQ, а также обезличенная клиническая информация. Анализ качества данных включен.	28	11 100
MP-1808	Экспертный анализ данных секвенирования полного генома Лабораторией клинической биоинформатики ClinBio под руководством Федора Коновалова. Для исследования необходимы данные в формате FASTQ, а также обезличенная клиническая информация. Анализ качества данных включен.	35	16 600
БИОИНФОРМАТИКА И КЛИНИЧЕСКАЯ ИНТЕРПРЕТАЦИЯ ДАННЫХ СЕКВЕНИРОВАНИЯ В НАШЕЙ ЛАБОРАТОРИИ			
MP-1809	Биоинформатическая обработка и клиническая интерпретация данных секвенирования КЛИНИЧЕСКОГО или ПОЛНОГО ЭКЗОМА в формате FASTQ, полученных методами MPS (NGS)	28	9 500
MP-1811	Работа биоинформатика: отбор точек из первичных данных полного генома для дальнейшей интерпретации врачом генетиком	15	5 100
MP-1812	Анализ метагеномных данных (от ридов до получения таблицы OTU/ASV)	по запросу	27 600
MP-1813	Проведение статистического анализа по разнообразию микробиоты	по запросу	66 300
MP-1814	Обсуждение планирования эксперимента и проведения исследования	по запросу	11 100
MP-1815	Анализ транскриптомных данных (от ридов до таблицы с каунтами)	по запросу	33 200
MP-1817	Разработка алгоритмов для анализа данных NGS	по запросу	44 200
MP-1820	Биоинформатическая обработка и клиническая интерпретация данных секвенирования ПОЛНОГО ГЕНОМА в формате FASTQ, полученных методами MPS (NGS) в других лабораториях	по запросу	18 800
MP-1816	Статистический анализ метагеномных/медицинских данных	по запросу	
КОНСУЛЬТАЦИЯ И ИНТЕРПРЕТАЦИЯ ПИСЬМЕННАЯ РАЗВЕРНУТАЯ СПЕЦИАЛИСТА ВРАЧА-ГЕНЕТИКА			
CG-1901	1-7 генов	15	1 700

CG-1902	8-20 генов	15	6 300
CG-1903	21-40 генов	15	9 100
CG-1904	>40 генов	15	12 000
CG-1905	Онлайн-консультация врача-генетика	-	3 300
CG-1906	Очная консультация врача-генетика	-	4 400
ВСПОМОГАТЕЛЬНЫЕ УСЛУГИ			
P-2001	Выделение ДНК из крови . Хранение 1 год	7	1 300
P-2002	Выделение ДНК из слюны, буккального эпителия, сухого пятна крови. Хранение 1 год	7	1 400
P-2003	Выделение ДНК из клеток с гистологических стекол и парафиновых блоков. Хранение 1 год	21	3 600
P-2004	Выделение ДНК из ворсин хориона, ворсин плаценты, амниотической жидкости. Хранение 1 год	10	1 800
P-2005	Выделение ДНК из пренатального и абортивного материала. Хранение 1 год	10	1 800
P-2006	Выделение бактериальной ДНК из биологических образцов. Хранение 1 год	10	1 700
P-2007	Выделение бактериальной ДНК из биоптатов, почвенных образцов, Нефти. Хранение 1 год	10	3 300
P-2008	Дополнительное хранение ДНК в биобанке 1 год	по запросу	
L-100	Транспортировка биологического материала по РФ (Москва и МО) в одну сторону	3-5	1 100
L-101	Транспортировка биологического материала по РФ (отдаленные регионы) в одну сторону	3-7	1 700
ИССЛЕДОВАНИЯ, ВЫПОЛНЯЮЩИЕСЯ			
ПО ПРЕДВАРИТЕЛЬНОМУ ЗАПРОСУ			
A27.05.032.003 (MP-1612)	*Мышечная дистрофия Дюшенна/Беккера	35	5 100
RH-1	*Молекулярно-генетическое определение Rh-принадлежности плода после инвазивного вмешательства для исключения хромосомной патологии	2	4 400
MP-1631	*Болезнь Виллебранда	65	51 900
MP-1633	*Лейкоэнцефалопатия с поражением ствола мозга и повышенным уровнем лактата	21	5 100
MP-1642	*Периодическая болезнь (поиск мутаций в гене <i>MEFV</i> методом NGS)	35	25 400
MP-1643	*Синдром Ретта (MECP2)	21	6 400
B-1	*Эндометриоз 7, маркеров	20	4 400
GP-709	*Репродуктивный мужской потенциал, 40 маркеров	35	42 000

GP-405	*Женское здоровье, 38 маркеров	28	25 400
GP-602	*Болезнь Грейвса, аутоиммунный тиреоидит	21	7 400
GP-103	*Рак легких, 11 маркеров	21	5 300
GP-106	*Рак простаты, 3 маркера	21	2 200
B1-max	*Ишемическая болезнь сердца, 23 маркера	20	15 200
B3-min	*Артериальная гипертензия, 2 маркера	10	1 200
GP-301	*Бронхиальная астма, 12 маркеров	21	5 700
GP-302	*Хроническая обструктивная болезнь легких, 2 маркера	21	3 200
M-10	*Полный генетический паспорт здоровья, 62 маркеров	35	61 900
M-12	*Базовый ГЕНЕТИЧЕСКИЙ ПАСПОРТ здоровья, 25 маркеров	25	15 900
GP-403	*Метаболический синдром и ожирение, 20 маркер	28	20 300
ФАРМАКОГЕНЕТИКА. АНАЛИЗ ГЕНЕТИЧЕСКИХ МАРКЕРОВ ДОЗ ЛЕКАРСТВЕННЫХ ПРЕПАРАТОВ FG-12 АНАЛИЗ ЛЕКАРСТВЕННЫХ			
ПРЕПАРАТОВ ДЛЯ ЛЕЧЕНИЯ СЕРДЕЧНО-СОСУДИСТОЙ ПАТОЛОГИИ			
FG-1213	*Антикоагулянты (варфарин) анализ генов системы детоксикации: CYP2C9(2), VKORC1(3) CYP4F2	7	3 200
FG-1216	*Статины SLCO1B1 (rs4149056)	10	2 500
АНАЛИЗ ЛЕКАРСТВЕННЫХ ПРЕПАРАТОВ			
ДЛЯ ЛЕЧЕНИЯ ОНКОЛОГИЧЕСКИХ ЗАБОЛЕВАНИЙ			
FG-1217	*Алкилирующие средства: циклофосфамид GSTP1 (rs1695), SOD2 (rs4880) CYP19A1 (rs4646)	21	3 200
FG-1218	*Алкилирующие средства: карбоплатин EGFR (rs121434568), (rs121434568), MTHFR (rs1801133), RCC1 rs11615)	21	4 400
FG-1219	*Алкилирующие средства: Оксалиплатин, Дакарбазин, Тиотеп, Цисплатин, Бусульф,ан ХРС rs2228001, MTHFR rs1801133, ERCC1 rs11615, rs3212986 ACYP2 rs1872328 GSTM1, GSTP1 rs1695, rs1138272	21	6 400
FG-1221	*Толерантность к химиотерапии 42 гена.	35	43 100
АНАЛИЗ ЛЕКАРСТВЕННЫХ ПРЕПАРАТОВ ДЛЯ ЛЕЧЕНИЯ ПСИХО-НЕВРОЛОГИЧЕСКИХ ЗАБОЛЕВАНИЙ			
FG-1202	*Противосудоржные препараты (эффективность, токсичность, риски нежелательных лекарственных реакций) - 13 маркеров CYP1A1, ABCB1, CYP2C19(3), CYP2C9(2), EPHX1(2), GSTT1, GSI1, GSTP1(2)	21	7 100
АНАЛИЗ ДОЗ ЛЕКАРСТВЕННЫХ ПРЕПАРАТОВ ПРИ ЛЕЧЕНИИ ДРУГИХ ЗАБОЛЕВАНИЙ			

FG-1223	Противотуберкулезные препараты (изониазид, р-анизид, римфампицин, дапсон) анализ гена II фазы детоксикации: NAT2 (4)	10	2 000
FG-1224	Ингибиторы протонных помп (омепразол) анализ генов I фазы системы детоксикации: CYP2C9, CYP2C19	10	3 200
FG-1226	Противовирусная терапия при хроническом гепатите С (ПЭГ-Интерон, рибавирин, теллапревир, боцепревир) IL28B 2 локуса (C>T, T>G)	10	2 500

ПРИЛОЖЕНИЕ 1.

1. ABCD1 Адrenoлейкодистрофия
2. ACADM Недостаточность среднецепочечной ацетил-коа-дегидрогеназы
3. ACADVL Недостаточность очень длинноточечной ацетил-коа-дегидрогеназы
4. AGXT Гипероксалурия первичная тип I
5. AKR1D1 Нарушение синтеза первичных желчных кислот 2
6. AKT3 Синдром мегалэнцефалии-полимикрoгирии-полидактилии-гидроцефалии
7. ALDOB Наследственная непереносимость фруктозы
8. ALPL Гипофосфатазия
9. APC Семейный аденоматозный полипоз
10. APOB Гиперхолестеринемия
11. ARG1 Аргининемия
12. ARSB Мукополисахаридоз тип VI
13. ASL Аргинино-янтарная ацидурия
14. ASPA Болезнь Канаван
15. ASS1 Цитруллинемия
16. ATM Атаксия-телеангиэктазия
17. ATP7B Болезнь Вильсона
18. BCKDHA Болезнь кленового сиропа IA
19. BCKDHB Болезнь кленового сиропа IB
20. BLM Синдром Блума
21. BRCA1 Рак груди и яичников, анемия Фанкони
22. BRCA2 Рак груди и яичников, анемия Фанкони
23. BTD Биотинидазная недостаточность
24. CBS Гомоцистинурия (B6-зависимые и невосприимчивые типы)
25. CFTR Муковисцидоз
26. COL4A5 Синдром Альпорта
27. CPS1 Недостаточность карбамоилфосфатсинтетазы 1
28. CPT2 Недостаточность карнитин палмитилтрансферазы
29. CTNS Цистиноз
30. DBT Болезнь кленового сиропа II
31. DHCR7 Синдром Смита-Лемли-Опитца

32. DMD Миодистрофия дюшенна-Беккера
33. ELP1 Наследственная сенсорно-вегетативная нейропатия
34. F8 Гемофилия А
35. F9 Гемофилия В
36. FAN Тирозинемия тип I
37. FGFR3 CATSHL синдром; SADDAN синдром; синдром Крузона; Ахондроплазия
38. GAA Болезнь Помпе (гликогеноз II)
39. GALC Болезнь Краббе
40. GALNS Мукополисахаридоз тип IVA
41. GALT Галактоземия
42. GBA Болезнь Гоше
43. GCDH Глутаровая ацидурия 1
44. GJB2 Глухота
45. GLA Болезнь Фабри
46. GLB1 Gm1-ганглиозидоз, Мукополисахаридоз тип IVB
47. HADHA Дефицит длинноцепочечной 3-гидроксиацил-КоА дегидрогеназы жирных кислот
48. HADHB Дефицит митохондриального трифункционального белка
49. HBB Талассемия бета
50. HEXA GM2-ганглиозидоз, Тея-Сакса
51. HEXB GM2-ганглиозидоз, Сандхоффа
52. HFE Гемохроматоз
53. HGSNAT Мукополисахаридоз тип IIIC
54. HSD3B7 Нарушение синтеза первичных желчных кислот I
55. IDS Мукополисахаридоз тип II
56. IDUA Мукополисахаридоз тип I
57. IVD Изовалериановая ацидемия
58. KCNQ1 Синдром Беквита-Видемана
59. L1CAM CRASH-синдром; MASA-синдром
60. LDLRAP1 Гиперхолестеринемия семейная IV
61. LIPA Дефицит лизосомной кислой липазы
62. MAN2B1 Альфа-маннозидоз
63. MMUT Метилмалоновая ацидурия
64. MTHFR Дефицит метилентетрагидрофолатредуктазы
65. MTRR Гомоцистинурия-мегалобластная анемия тип cblE
66. MUTYH Семейный аденоматозный полипоз 2
67. MVK Мевалоновая ацидурия
68. NAGLU Мукополисахаридоз, тип IIIB
69. NAGS Дефицит N-ацетилглутамат синтазы

- 70. NF1 Нейрофиброматоз I типа
- 71. NF2 Нейрофиброматоз II типа
- 72. NLRP3 Семейный холодовой аутовоспалительный синдром
- 73. NPC1 Болезнь Ниманна-Пика тип C1
- 74. OTC Дефицит орнитин транскарбамилазы
- 75. PAH Фенилкетонурия
- 76. PC Дефицит пируваткарбоксилазы
- 77. PCCA Пропионовая ацидемия
- 78. PCCB Пропионовая ацидемия
- 79. PCSK9 Гиперхолестеринемия семейная 3
- 80. PHEX Гипофосфатемический рахит, X-сцепленный доминантный тип
- 81. PKD2 Поликистоз почек 2
- 82. PKHD1 Поликистоз почек 4
- 83. PPT1 Нейрональный цероидный липофусциноз
- 84. PTPN11 Синдром Нунана
- 85. RPE65 Врожденный амавроз Лебера тип II
- 86. SCN1A Генерализованная эпилепсия с фебрильными судорогами; синдром Драве; гемиплегическая мигрень
- 87. SGSH Мукополисахаридоз тип IIIA
- 88. SLC25A13 Цитруллинемия тип II
- 89. SLC25A15 Синдром гиперорнитинемии-гипераммониемии-гомоцитруллинемии
- 90. SLC26A2 Дисплазия де ля Шапеля; Диастрофическая дисплазия
- 91. SLC26A4 Синдром Пендреда; наследственная несиндромальная тугоухость
- 92. SLC6A19 Болезнь Хартнупа
- 93. SLC7A7 Лизинурическая непереносимость белка
- 94. SMPD1 Болезнь Ниманна-Пика
- 95. TNFRSF1A Периодическая лихорадка семейная
- 96. TPP1 Нейрональный цероидный липофусциноз; спиноцеребеллярная атаксия
- 97. TSC1 Туберозный склероз 1
- 98. TSC2 Туберозный склероз 2
- 99. USH2A Синдром Ушера тип IIA